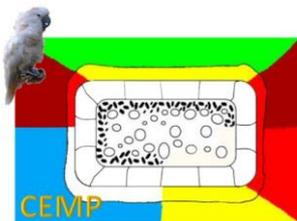


Scientific List of the mutation «BVE»

Nomenclature de la mutation « BVE »

A. Procédure of validation/Procédure de validation

Chrono	Critères	Commentaires			
Critères de validation de la mutation					
1	Mode de transmission* <i>Par rapport au Phénotype sauvage</i>	<input type="checkbox"/> Semi- dominant	<input type="checkbox"/> Dominant	<input checked="" type="checkbox"/> Récessif	
		<input type="checkbox"/> Autosomique (Libre)	<input type="checkbox"/> Gonosomique (Liée au sexe)	<input checked="" type="checkbox"/> Autosomique (Libre)	<input type="checkbox"/> Gonosomique (Liée au sexe)
2	Définition et Description	<input checked="" type="checkbox"/> Monogénique		<input checked="" type="checkbox"/> Polygénique	
2a		Mutation qui entraîne une inhibition variable des psittacines de 50 % à 100 % grâce à l'action d'un gène à expression variable, dans l'état des connaissances actuelles.			
2b		<u>Conséquence N°1 sur le phénotype du plumage</u> Le plumage renferme des mélanines (même taux que le phénotype sauvage) et une réduction partielle uniforme des psittacines allant de 50 % à 100 %, avec trois seuils phénotypiques. La mutation bloque plus ou moins la synthèse des psittacines. La couleur descriptive (visuelle) couvre un champ de tonalités pouvant aller : <ol style="list-style-type: none"> du bleu-vert au bleu en présence de mélanines et de coloration structurale, de suffusions rouge saumonée à blanc lors de la présence seule de psittacine rouge, au jaune crème à blanc lors de la présence seule de psittacine jaune. 			
2c		<u>Conséquence N°2 sur le phénotype des autres téguments et des yeux</u> Les tissus cutanés sont inchangés. Les productions cornées sont inchangées. Les yeux sont inchangés.			
2d		<u>Hypothèse de particularités physiologiques propres ou associées à la mutation</u> <input type="checkbox"/> Augmente la taille <input type="checkbox"/> Diminue la taille <input checked="" type="checkbox"/> Sans effet <input type="checkbox"/> Modifie l'aspect de la plume <input checked="" type="checkbox"/> Sans effet			
2 ^e		<u>Autres remarques :</u>			
Catégorisation de la mutation					
3	Catégorie	<input type="checkbox"/> Dessin	<input checked="" type="checkbox"/> Couleur	<input type="checkbox"/> Structure	
Appellations scientifiques de la mutation					
4	Appellation génétique	Allèle non muté :	<i>Bve⁺</i>		
		Allèle muté :	<i>bve</i>		
5	Appellation génotypique	Sujet homozygote non muté :	<i>Bve⁺/ Bve⁺</i>		
		Sujet hétérozygote :	<i>Bve⁺/ bve ou bve/ Bve⁺</i>		
		Sujet homozygote muté :	<i>bve/ bve</i>		
6	Appellation phénotypique	Sujet homozygote non muté :	♂♀ Phénotype sauvage [+]		
		Sujet hétérozygote :	♂♀ Phénotype sauvage porteur [+]		
		Sujet homozygote muté :	♂♀ [Bleu expression variable]		
7	Locus	<i>bleu expression variable</i>			
7a	Allèle connu	1. BVE	chez <i>Neophema splendida</i> .		



Scientific List of the mutation «BVE»

Nomenclature de la mutation « BVE »

B. Popularization/Vulgarisation

Chrono	Critères	Commentaires															
Représentation graphique																	
1	Phénotype	<p>Schéma de principe : coupe transversale du Phénotype sauvage</p> <p>Du Phénotype [Bleu expression variable]</p>															
Expressions phénotypiques																	
2	Couleur descriptive (principale)	<table border="1"> <thead> <tr> <th>Phénotype sauvage</th> <th>Vert (Jaune)</th> <th>Rouge</th> <th>Noir (Gris)</th> <th>Blanc</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td></td> <td>1 Bleu-vert 2 Cyan 3 Bleu (Jaune crème à blanc)</td> <td>1 Saumon orangé 2 Saumon orangé pâle 3 Blanc</td> <td>Noir (Gris)</td> <td>Blanc</td> </tr> <tr> <th>Phénotype muté</th> <td></td> <td></td> <td>Noir (Gris)</td> <td>Blanc</td> </tr> </tbody> </table>	Phénotype sauvage	Vert (Jaune)	Rouge	Noir (Gris)	Blanc		1 Bleu-vert 2 Cyan 3 Bleu (Jaune crème à blanc)	1 Saumon orangé 2 Saumon orangé pâle 3 Blanc	Noir (Gris)	Blanc	Phénotype muté			Noir (Gris)	Blanc
Phénotype sauvage	Vert (Jaune)	Rouge	Noir (Gris)	Blanc													
	1 Bleu-vert 2 Cyan 3 Bleu (Jaune crème à blanc)	1 Saumon orangé 2 Saumon orangé pâle 3 Blanc	Noir (Gris)	Blanc													
Phénotype muté			Noir (Gris)	Blanc													
Taxons reconnus																	
3	Liste* des taxons reconnus avec cette mutation	1. <i>Neophema splendida</i>															
Liste des réserves ou exceptions																	
4	Réserves ou exceptions	<p>Cette mutation est connue à ce jour chez un seul taxon. L'action du gène produisant cette mutation a fait l'objet de nombreuses interrogations. Beaucoup d'auteurs l'ont assimilé aux allèles Aqua et Turquoise de par ses phénotypes très proches tout en sachant que leurs lois de transmission héréditaire ne s'appliquaient pas. Ce qui aurait dû les conduire à confirmer qu'il ne s'agissait pas de la même mutation.</p> <p>Les expériences de croisement menées depuis 30 ans par le Dr Stéphane LAVERGNE montrent que cette mutation est placée sous l'action d'un gène à expression variable. Trois déclinaisons phénotypiques principales, dépendantes de la réduction des psittacines, sont observées sans certitude que nous sommes en présence d'un locus monogénique : [BVE1], [BVE2], [BVE3].</p>															
Langage véhiculaire / vernaculaire																	
5		<p>Le CEMP propose de valider l'appellation BVE (Blue variable expression) pour cette mutation. Les phénotypes peuvent être incrémentés pour être différenciés. Ceci étant, il reste important d'identifier différemment cette mutation attestant que des phénotypes identiques n'ont pas toujours comme origine le même gène commun.</p> <p>Le CEMP suggère l'appellation BVE (Bleu à expression variable) pour la langue française.</p>															